





transfert de
biométrie
entre
2 fichiers
MédiStory



*Pas à pas réalisé par gilles guillon. Octobre 2014
N'engage en rien Prokov Editions*


Si questions relatives à ce livret : courriel : pasapas@laposte.net

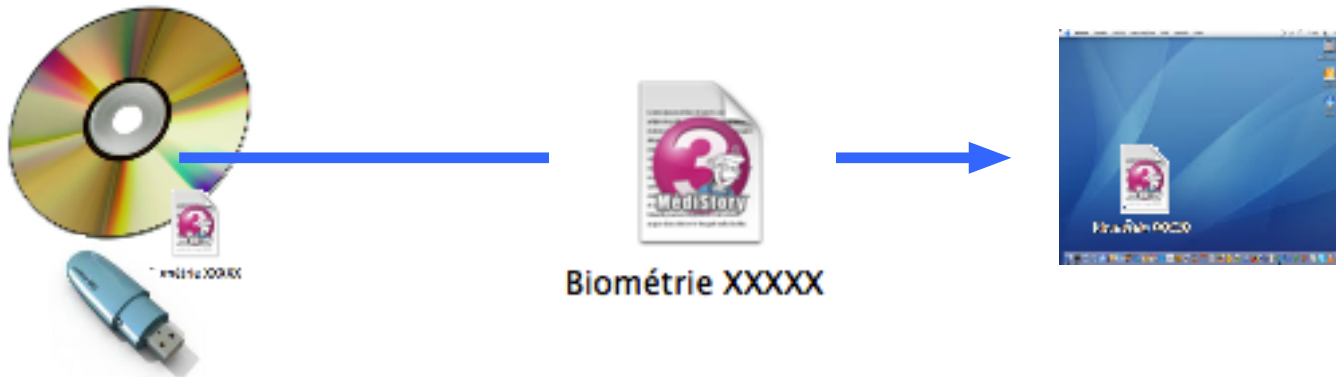
Sommaire



	Procédure de transfert	3
	"Contient" ou "contient pas"	5
	Le fichier ne contient pas de variable synonyme	6
	Le fichier contient déjà une variable synonyme	8



Procédure de transfert : échange de fichiers biométriques :

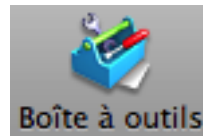
-  Copier le fichier reçu (celui qui sera importé) sur le bureau du Mac.
ce fichier sera désigné ci-dessous dans le texte par : “Biométrie XXXXX”



-  Quitter complètement MédiStory (menu MédiStory / Quitter ou CMD+Q)
-  Effectuer un archivage préalable du fichier principal via AccèsDirect par la procédure habituelle.
... en cas de souci !



 Lancer OutilProkov / Clic icône "Boîte à outils"



 Choisir l'item : "Echanges entre deux fichiers MédiStory"

Echanges entre deux fichiers MédiStory

 Valider la fenêtre d'information affichée intitulée : "Introduction"

 Ouvrir successivement les 2 fichiers par le bouton pop-up de dialogue en haut de fenêtre :


- le premier : fichier principal (qui aura été sauvegardé auparavant)

Sélectionnez le premier fichier MédiStory

- puis le second : celui reçu qui a été copié sur le bureau du Mac : "Biométrie XXXXX"

Sélectionnez le second fichier MédiStory

→ Ne pas tenir compte d'un éventuel message en rouge.
Passer outre en cliquant sur le bouton [Suivant]

 Fenêtre : "Choix de l'échange à réaliser" : sélectionner la ligne :

échanger des adaptations de biométrie

 Clic sur le bouton [Suivant] = fenêtre intitulée : "Echanges d'adaptation de biométrie"



ATTENTION :

Deux situations peuvent se présenter maintenant :



**le fichier proposé à l'importation
ne contient pas
de variables susceptibles
d'être déjà présente dans le
fichier recevant l'importation**



**le fichier proposé à l'importation
peut contenir une variable
probablement déjà présente
(sous le même ou sous un autre nom)
dans le fichier recevant l'importation**





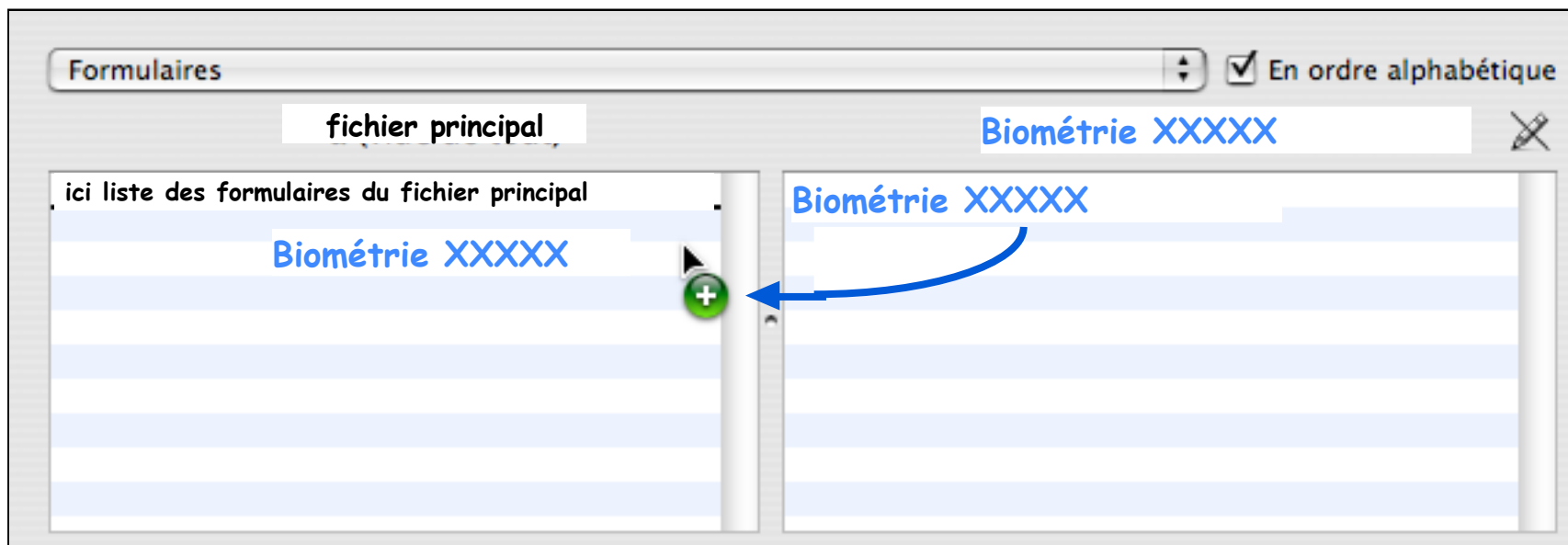
Le fichier **ne contient pas** de variables synonymes

- Clic sur bouton pop'up : [Unités de mesure] et choisir : [Formulaires]

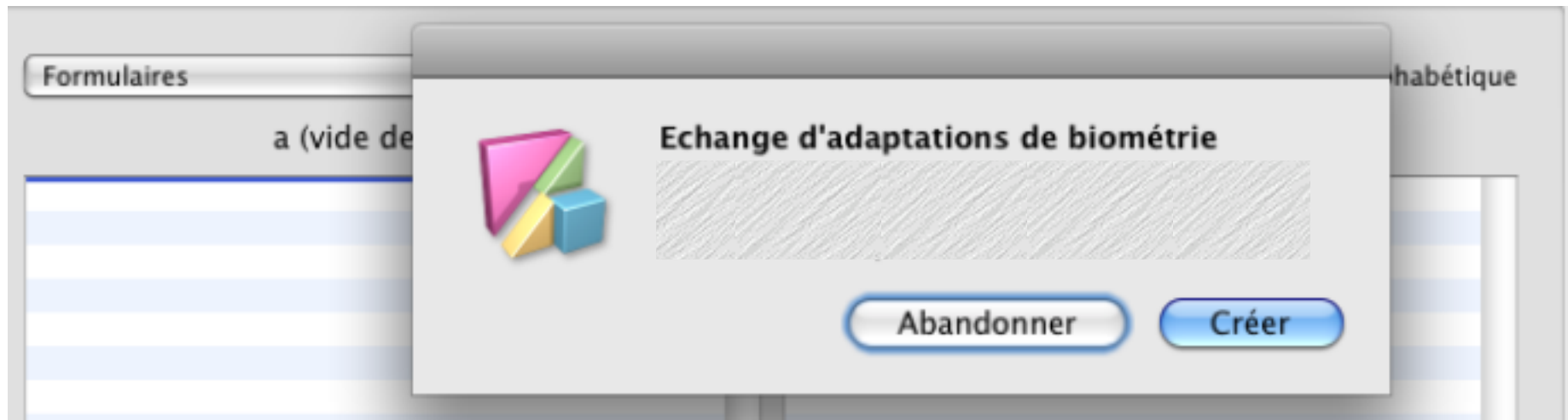


= d'un côté liste de "Formulaires" du fichier principal,
et de l'autre celui fournit avec le fichier nommé "Biométrie XXXXX"

- A l'aide de la souris : glisser la ligne "Biométrie XXXXX" sur la liste du fichier principal :



- valider autant de fois que nécessaire par un clic sur le bouton [Créer]



- Clic en bas à droite clic sur le bouton [Terminer]
- Quitter OutilProkov (menu OutilProkov / Quitter ou CMD+Q)
- Relancer MédiStory normalement
- Vérifier sur un dossier fictif le comportement de ce nouveau formulaire de biométrie importé.



Le fichier principal **contient déjà** une variable synonyme

Copie d'écran page suivante ...

-A) clic à gauche sur bouton pop'up [Unités de mesure] / Choisir : [Formulaires]



-B) clic à droite sur la ligne "Biométrie XXXXX"
= affichage dessous colonne de gauche des "Variables de la sélection"

-C)

La colonne à gauche affiche toutes les variables de biométrie contenues dans le fichier importé.

La colonne droite affiche les variables connues dans le fichier de destination (*ici : HDL, Triglycérides*)

Les lignes restées vides sont :

- 1 → soit des variables existantes mais sous un autre nom (*ici : Glycémie à jeun -> cf page suivante*)
- 2 → soit des variables totalement inconnues dans le fichier de destination (*ici : Tour de taille*)

- 1 → si la variable existe sous un autre nom :
double clic dans la colonne à droite : "Variables de destination" = ouverture d'un champ
taper le nom de la variable contenue dans la biométrie du fichier principal
= liste / double clic sur la bonne variable (*ici : Glycémie à jeun = Glycémie*)
- 2 → si la variable est totalement inconnue ou n'est pas liée à une variable du fichier de destination, elle sera créée automatiquement. ATTENTION donc à être bien attentif, car dans l'exemple ci-dessous : si "Glycémie à jeun" n'est pas liée à "Glycémie", les 2 variables existeront dans le fichier de destination.

fichier principal
Biométrie XXXXX

ici liste des formulaires du fichier principal

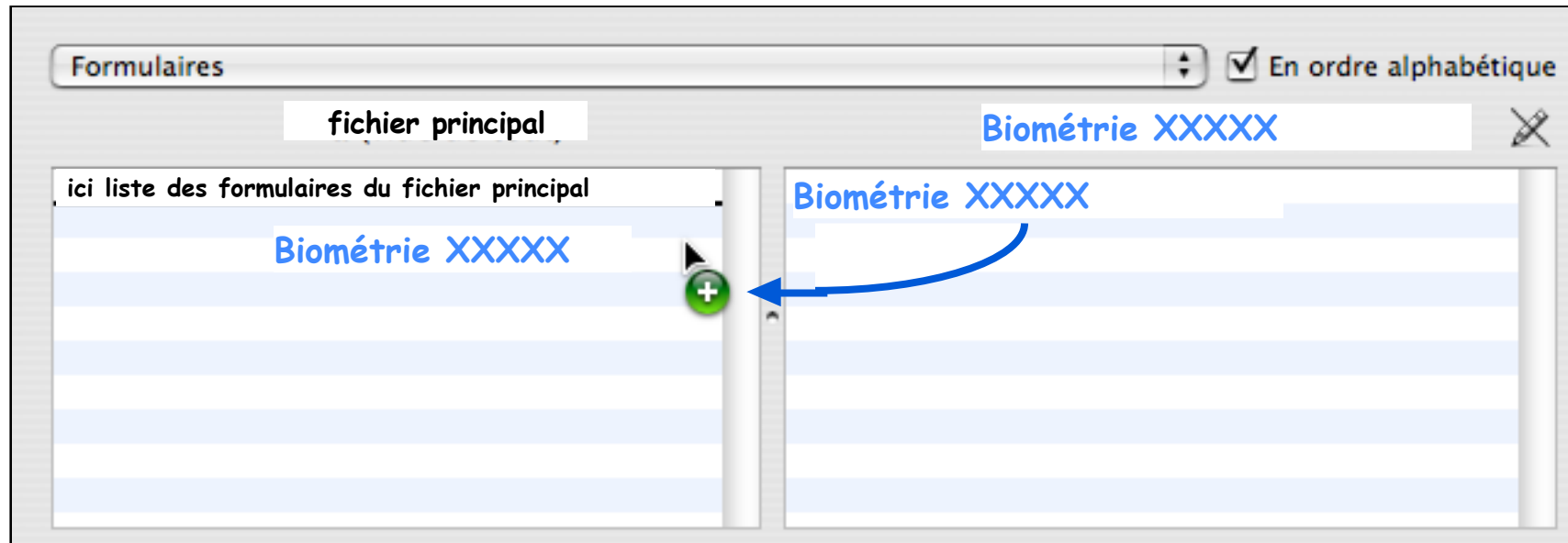
Biométrie XXXXX ← -B)

Nouveau nom : Biométrie XXXXX Copier >>

Variables de la sélection	Unité	Variables de destination
Tour de taille		
Σ métabolique : tour de taille		
HDL	HDL; g/l	
Σ métabolique : HDL		
Triglycérides	Triglycerides; mg	
Σ métabolique : triglycérides		
Glycémie à jeun		Glycémie; g/l -C)
Σ métabolique : glycémie à jeun		Glycémie; fmol/l
PA systolique		Glycémie; mol/l
PA diastolique		Glycémie; g/l
Σ métabolique TA		Glycémie; mg/l
Σ métabolique : résultat		Glycémie; µg/l
		Glycémie; ng/ml
		Glycémie; ng/l
		Glycémie; g/100ml

 dès que le rapprochement est terminé :

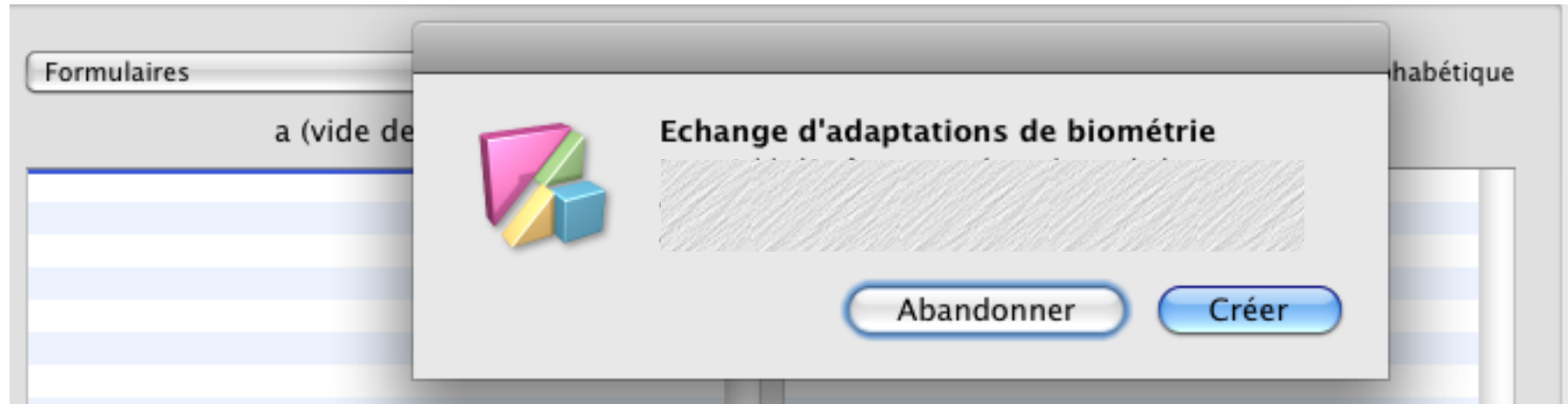
à l'aide de la souris : glisser la ligne "**Biométrie XXXXX**" sur la liste du fichier principal :



puis ...



- valider autant de fois que nécessaire par un clic sur le bouton [Créer]



- Clic en bas à droite bouton [Terminer]
- Quitter OutilProkov (menu OutilProkov / Quitter ou CMD+Q)
- Relancer MédiStory normalement
- Vérifier sur un dossier de santé fictif le comportement de ce nouveau formulaire de biométrie.



Bon travail !

